

## PLATAFORMA BIOINFORMATICA

### Resumen:

Plataforma de apoyo a la investigación cuya misión principal es impulsar el desarrollo de cualquier estudio de DNA/RNA a escala masiva, bien sea en humanos o en otros organismos.

**Equipo:** Responsable: Victor Segura Ruiz (948.194.700 - Ext. 5032)

**Ubicación:** Centro de Investigación Médica Aplicada m@il: [ubioinformat@unav.es](mailto:ubioinformat@unav.es)  
Avda. Pío XII 55, Ed. CIMA, 31008 Pamplona (Navarra)  
Laboratorio B.01

**www:** <http://cima.unav.edu/investigacion/plataformas/bioinformatica>

### Servicios:

- **Diseño experimental.** Asesoramiento para decidir el tamaño muestral, el diseño del estudio y la planificación de la metodología.

- **Análisis de datos.** Se realiza el procesado bioinformático de los datos obtenidos en diversas plataformas tecnológicas de alto rendimiento empleadas en el ámbito de la genómica y la proteómica (microarrays, secuenciación, PCR, etc.). En estos análisis se incluye la normalización, el análisis estadístico y la representación de los resultados. Los análisis más habituales son:

- Expresión diferencial de genes, miRNAs o lncRNAs.* La tecnología de procedencia de los experimentos puede ser microarrays (Affymetrix, Agilent), PCRs masivas (TLDA de Applied Biosystem) o RNA-seq (Illumina, Ion Torrent).
- Estudios de genotipado y de variación del número de copias del DNA mediante microarrays (Affymetrix) o secuenciación del DNA (Illumina).*
- Caracterización de splicing alternativo* a partir de los datos obtenidos en experimentos de microarrays (Affymetrix) o RNA-seq (Illumina).
- Interacciones proteína-DNA* a partir de experimentos de inmuprecipitación y microarrays (ChIP-chip) o secuenciación (ChIP-seq).
- Patrones de metilación de DNA* en experimentos con microarrays (Illumina Infinium).

- **Ayuda a la interpretación de resultados.** Una vez seleccionados los genes de interés se realizan estudios de asignación biológica funcional. Este tipo de análisis puede ser muy amplio y variará en función de los objetivos específicos de cada estudio.

**Tarifas:** En vigencia desde 01.04.2017

Grupo	Ref.	Descripción Prueba	INTERNA Idisna	EXTERNA Resto	Ud. Fact
<b>Diseño experimental</b>	DE-ASESOR	Asesoramiento	40	50	Hora
	AD-BIOINF	Hora de Bioinformático	50	55	Hora
<b>Análisis de datos</b>	AD-EXPRESSION	Expresión diferencial	Bajo presupuesto (mín. 300€)		
	AD-GENOTIP	Genotipado o CN	Bajo presupuesto (mín. 1.000€)		
	AD-SPLI	Splicing alternativo	Bajo presupuesto (mín. 5.000€)		
	AD-CHIP	ChIP-seq	Bajo presupuesto (mín. 100€)		
	AD-METIL	Metilación diferencial	Bajo presupuesto (mín. 500€)		
	AD-OTROS	Otras peticiones	Bajo presupuesto		
<b>Interpretación de resultados</b>	IR-BIOINF	Hora de Bioinformático	65	70	Hora
	IR-INGENUITY	Ingenuity y contrastar resultados con datos públicos	Bajo presupuesto (mínimo 2.000€)		

**Observaciones:** Para cualquier cuestión puede contactar con [ubioinformat@unav.es](mailto:ubioinformat@unav.es)